○目的

・ 計算速度は度外視して、手軽に ab initio QM/MM-MD 計算を可能にする

○プログラムの仕様と使用方法

· 基本仕様

- 機能概要

▶ QM/MM-MD 計算の QM 計算に対し、オリジナルの Sander モジュールが扱えるのは、PM3 や AM1 といった semi-empirical QM 計算のみである。そこで、その QM 計算を外部呼び出しによって Gaussian 03 が代わりに行うことにより、ab initio QM 計算が可能に、つまり ab initio QM/MM-MD 計算が可能になる。ここで、上記の外部呼び出しの役割を担うものが、われわれが開発してきた、Sander と Gaussian 03 間においてデータのやりとりをする機能をもつ手続き群(これを、まとめて Gaussian Interface と呼んでいる)である。

- 機能構成

- ▶ 設定ファイルに基づいて、G03 用インプットファイルの作成とその実行
- G03 の結果から、エネルギーと QM 原子ならびに MM 原子にかかる力のピックアップ
- ▶ G03 において求めることができる電荷の取り出し
- ➤ デバッグや後の使用のために必要ならば、G03の結果データの保存

- ハードウェア構成 (確認しているもの)
 - > 32bit アーキテクチャでの Intel CPU と Intel Fortran ver. 9.1
- 運用の前提条件
 - ➤ Amber9 ならびに Gaussian03 が使える環境にあること
 - ➤ G03 ユーティリティライブラリ util.a が存在し、それがリンク可能であること
- その他
 - G03 の処理がボトルネックだが、並列計算は丸め誤差によってトラジェクトリ が不安定になるために避けたほうがいい

機能仕様

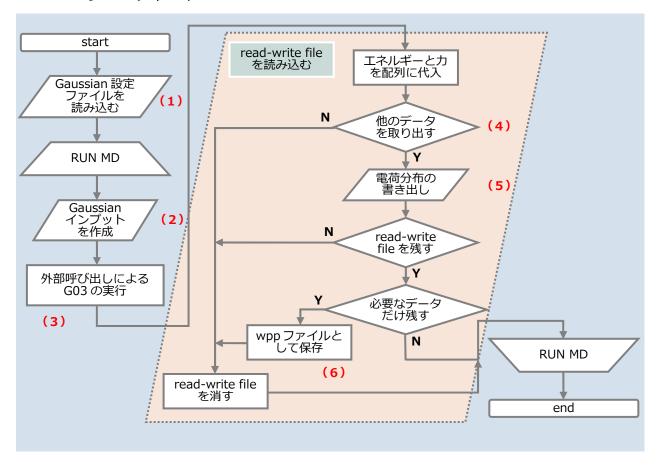
- プログラムの動作
 - ユーザーによる設定(Gaussian 設定ファイル)
 - ♦ G03 インプットファイルのためのヘッダー指定部(必須)
 - e.g.

%nosave %mem=512MB %rwf=/work/yamada/GAUSCR/MeOH-d256.equ.rwf pop=(mk,dipole) #p RHF/3-21G nosymm scf=tight HF/MM-MD calculation ... MeOH in water ... For Equilibration

0 1

- ◆ インターフェイス自体の機能のキーワード指定部
 - 詳細は、使用方法の項で説明する

> フローチャート



◇ フローチャート内の項目の説明

- (1) あらかじめ用意しておいた Gaussian 設定ファイルを読み込み、Gaussian インプットファイルを作る準備と、インターフェイス内で使用するフラグの設定を行う
- (2) (1) で準備したもの(ヘッダー部分)と、QM 座標と MM 座標とその電荷を用いて Gaussian インプットファイルを作る。そのファイル名は、gaussian.(HOSTNAME)-(PID).tmpin である。デフォルトでは、実行後に消去するが、残しておくこともできる。
- (3) G03 をシステムコール(外部呼び出し)で実行する。ここで、G03

実行時にエラーが出たとき、Sanderが止まるようにしている。また、 アウトプットファイルを残しておくこともできる。

- (4) インターフェイス自体の機能として、G03 による計算結果のデータで、エネルギーとカ以外のものをどう処理するかを指定できる。その指定には、何もしないか、または、MD ステップ何回ごとに 1 回データを残すかを選ぶことができる。
- (5) G03 による計算結果から、QM 分子の電荷分布を取り出す。それを書き込むファイル名はユーザーが指定できるが、デフォルトでは、gd-charge.(HOSTNAME)-(PID).wpp である。ただし、必要に応じて、Gaussian 設定ファイルのヘッダー指定部に、pop キーワードを入れる必要があることを忘れてはいけない。
- (6) G03 による計算結果が入っている read-write file をそのまま残しておくと、巨大なディスク容量が必要となるので、計算結果を解析するための最小限のデータだけを取り出し、別名で保存する。そのファイル名は、オリジナルの read-write file の拡張子を取り除いた部分を、RWF name とすると、(RWF name).(PID)-(# of MD step).wppである。

· 詳細仕様

- Gaussian Interface 全体を通じてのプログラミングポリシー

- ▶ オリジナルの Sander ソースコードの変更は可能な限り最小限にして、 Gaussian Interface のなかでできることは、そのなかで行う(Amber の新しい Version に対して、組み込みが楽になるのでは?という考えから)
- ▶ できるだけ Module 構文を使う(コンパイルの順序によってどうしても Module にできないものなどを除いて)
- 変数に値を代入するときは、可能な限り引数として扱う

· 使用方法

- 用意しておくファイル
 - ➤ Gaussian 設定ファイル(この例では、ファイル名を gsetting とする)

♦ e.g.

```
&gauss
 NS_TIMING=0,
 ifdebug=0,
 ipack_rwf=0,
 kind chg=0
 isave orb=0
 fn_chg=charg-mulliken.equ
--header
%nosave
%mem=512MB
%rwf=/work/yamada/GAUSCR/MeOH-d256.equ.rwf
pop=(mk,dipole)
#p RHF/3-21G nosymm scf=tight
HF/MM-MD calculation ... MeOH in water ... For Equilibration
0 1
EOF
*** contents of gsetting ***
```

- ◇ インターフェイス自体のキーワードの説明
 - ns_timing: G03の計算結果から、エネルギーと力以外のデータを取り 出す、または残すタイミングの指定
 - = 0:データを取り出さない・残さない
 - = 1:毎回、データを取り出す・残す
 - = N: MD ステップ N 回ごとに 1 回、データを取り出す・残す
 - kind_chg: G03の計算結果のデータのうち、ns_timingで定めたタイミングで、どの種類の電荷分布を取り出すかの指定
 - = 0:何もしない
 - = 1: Mulliken charges を取り出す
 - = 2: Potential-derived charges を取り出す
 - = 3: Atoms In Molecule による電荷を取り出す
 - = 4: NPA による電荷を取り出す
 - 註)2以上のとき、pop キーワードなどが G03 インプットのルートセクションに必要
 - fn chg: QMの電荷分布をプリントするファイル名の指定
 - → 指定しないとき、自動的にデフォルトのファイル名が作られる
 - keep_out: ns_timing で定めたタイミングで、G03 アウトプットファイルをどのように処理するかの指定

- =-1:アウトプットファイルを残さない(ただし、エラーは判断する)
- = 0:エラーが生じたときのみ、アウトプットファイルを残す
- = 1:アウトプットファイルを残す
- = 2: ns_timing によらず、全ステップのアウトプットファイルを残す 註) アウトプットファイルが作られる場所は、環境変数 GAUSS SCRDIR に指定されているディレクトリである
- keep_inp: ns_timing で定めたタイミングで、G03 インプットファイルをどのように処理するかの指定
 - = 0:インプットファイルを残さない
 - = 1:インプットファイルを残す
 - = 2:ns_timing によらず、全ステップのインプットファイルを残す
- ifdebug:デバッグプリント
 - = 0:何もしない
 - = 1:詳細な情報をプリントアウトする
- ipack_rwf:G03の計算結果が入っている read-write file を、ns_timing
 で定めたタイミングで、チェックや解析に必要最小限のデータだけを取り出して、別名で保存するかの指定
 - = 0:何もしない
 - = 1:QM 座標、MM 座標とその電荷、それぞれにかかる力と系のエネ

ルギーと QM に割り当てられる電荷分布を保存する

● isave_orb: ipack_rwf において保存される情報に MO と重なり積分を 追加するかどうかの指定

= 0:追加しない

= 1:追加する

● keep_rwf:G03の計算結果が入っている read-write file を、ns_timing で定めたタイミングで、そのまま残しておくかどうかの指定

= 0:残さない

= 1: read-write file をそのままのかたちで残す

▶ G03 実行スクリプト (パスが通っているところに置いておく)

```
#!/bin/bash -f
INP=$1
JRUNFLAG=$2
KEEPFLAG=$3
UNAME=`whoami`
HOSTNM=`hostname`
DATE=$(date +%F-%T)
TEMP=gaussian-${UNAME}_${HOSTNM}.${DATE}.out
OUTN=gaussian-${UNAME}_${HOSTNM}.${PPID}.out
LIMB=100000000
if [ -d "$GAUSS_SCR" ]; then
DIR=$GAUSS_SCR
else
   DIR=$PWD
if [ -z "$GOUT" ]; then OUT=${DIR}/$OUTN
else
    OUT=$GOUT
fi
if [ "$JRUNFLAG" != "-1" ]; then
  if [ "$KEEPFLAG" == "1" ]; then
    if [ -e ${OUT} ]; then
    LIST=($(Is -I ${OUT}))
    if [ ${LIST[4]} -ge $LIMB ]; then
        NUM=0
               while true; do
NUM=$((NUM + 1))
OUT2=${OUT%.*}-${NUM}.${OUT##*.}
if [ -e ${OUT2} ]; then
unset LIST
LIST=($(Is -I ${OUT2}))
if [ ${LIST[4]} -ge $LIMB ]; then
unset OUT2
continue
                           continue
                       fi
                      break
                   fi
                   break
               done
               unset OUT
               OUT=${OUT2}
           fi
g03 < \$INP 1> \$\{DIR\}/\$TEMP 2>\&1 if [ \$? -eq 1 ]; then #- Error termination
       echo "Gaussian Failed! " ${DIR}/${TEMP}
    exit 1
elif [ "$KEEPFLAG" == "1" ]; then
#- Normal termination
#- Normal termination
#-- Keep OUTPUT File
$(cat ${DIR}/${TEMP} >> ${OUT})
echo "** END OUTPUT -- " >> ${OUT}
echo " " >> ${OUT}
    fi
#- Normal termination
#-- Delete OUTPUT File
    $(rm -f ${DIR}/$TEMP)
    g03 < $INP > /dev/null 2>&1 if [_$? -eq 1 ]; then
#-- Error termination echo "Gaussian Failed! "
        exit 1
   fi
fi
exit 0
```

- MD計算の実行

▶ e.g. 実行スクリプトの例

```
#!/bin/csh -f
set JN=$1
set DIR=$2
set CWD=`pwd`
#setenv PRTGVAL internal
#setenv G03 g03b
setenv GAUSS_SCR /work/yamada/GAUSCR
#setenv GOUT gau.out

cp -f gsetting $JN.inp ${JN}.parm ${JN}.intcrd $DIR
chdir $DIR
time /home3/yamada/amber9-wpp/exe/sander.t2 -i ${JN}.inp -o
${JN}-md.out -p ${JN}.parm -r ${JN}-md.rst -c ${JN}.intcrd -x
${JN}-md.crd -gin gsetting >& ${JN}-md.log
chdir $CWD
exit 0
```